

Fig. 2

Fig. 3

Fig. 4

Fig. 5

```

AC-----GAAG-----TT-----AT-----CTGATTGGCAA---GAA----- -24
:      :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :
AGAGAAAGAAGGGGCTTTAGGCATTACACTTATCGGTAAACTGAAAAGA -50

TCCACAACAAG-TTGTCTTTGGTAAGAT--GTTTAA-----AAAC-GG -64
: :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :
TGCGGAAGAAGCTTGAGTGAAGGCAAGGTTTCGCTTAAGAAGGGAAACCGG -100

GTCTATAGCTCAGTTGGTTAGAGCACCGTGTTGATAACGCGGG-GGTCAT -113
: :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :
GTTTGTAGCTCAGCTGGTTAGAGCACACGCTTGATAA-GCGTGAGGTCGG -149

AAGTTCAAGTCTTATTAGACCCACCATT-TT-GGGGCCATAGCTCAGTTGG -162
: :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :
AGGTTCAAGTCCTCCAGACCCACCAAGAACGGGGGCATAGCTCAGTTGG -199

TAGAGCGCCTGCCTTGACGCGAGGAGGTCAGGAGTTCGACTCTCCTTGGC -212
: :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :
TAGAGCACCTGCTTTGCAAGCAGGGGGTCATCGGTTTCGATCCGTTTGCC -249

TCCACCAAGCAAGTTTAAACATCAAAGCATACATAAGCAATTTAAATAAG -262
: :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :
TCCACCAA--AACTTTACAAATGAAAGCAAG--TTTGCTGT-TTTAGCAG -295

ATTTCTTATTTATGCTTT-TATTTTATAAACTGA-CGAAGTTATAACAT -310
: :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :
CTTATTTTGATTTGCGAAGTAGAATAACGACGCATCGATCTTAACAAAT -345

T-----ATTTAACAA-CATAGT--ATGAGTCTGGGTAAATTATTT -347
:      :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :
TGGAAGCCGAAATCAACAAACAAAGACAATGAGTTTGTTTTGATTTTTT -395

AAT---TCCAACAAATAATTAACCTGGTGTTTGT--ACCCAATACAAACA -392
: :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :
ATTCTTTGCAAAGGATAAAAAATCTCTCGCAAGAGAAAAGAAACAAACA -445

CCAAA-----AAAGTAAAGAG--AA--CTGAATCA-----GC- -421
:      :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :
TAGTATTTGGGTGATGATTGTATCGACTTAATCCTGAAACACAAAAGGCA -495

GTA-----AACATAGGTG-AATCGTTA-CACATTACCCATA-CAC- -458
: :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :
GGATTAAGACACAACAAAGCAGTAAGCTTTATCAAAGTAGGGATTTCAG -545

-----AC-----CAAAGACTTCCTA---GAAGTCAGACTA---CTTGG -490
: :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :   :
TTTGCTTACTTAGTCAACGGGTAGGTAAACGAAGTCAAAGAAATTCTTGA -595

GGTTGTAT -498
:   :
AATGATAG -603

```

Fig. 6

```

C----- -1
:
CTTAACCTTCGGGAGGGCGCTTACCACTTTGTGATTTCATGACTGGGGTGA -50
-----CAAAATAA-----AG-----AC-----ATCAC----- -18
      :::  :::  ::  ::  ::::
AGTCGTAACAAGGTAACCGTAGGGGAACCTGCGGTTGGATCACCTCCTTA -100
-----AAGTA-----CTCACACAGATTGTTTGATTGTTTT -48
      :::  :  :::::::::::::::  :
CCTTAAAGAAGCGTACTTTGTAGTGCTCACACAGATTGTCTGATAGAAAG -150
AGA-----CAAGTCG-----GAATA----- -63
      ::  ::::  ::  ::::
TGAAAAGCAAGGCGTTTACGCGTTGGGAGTGAGGCTGAAGAGAATAAGGC -200
CAT---CTTT-----AAATGT----- -76
:  :  ::::  ::::  :
CGTTCGCTTTCTATTAATGAAAGCTCACCCCTACACGAAAATATCACGCAA -250
-----TGTCCCCATCTGTCTAGAGCCCTAGGACAT -106
      :::::  ::  :::::  :::::
CGCGTGATAAGCAATTTTCGTGTCCCTTC-GTCTAGAGGCCAGGACAC -299
CGCCCTTTCACGGCGGTAACCGGGGTTCTGAANCCCC--GTGGACGCCATC -154
:::::::::::  :::::  ::::  :  :::::  :
CGCCCTTTCACGGCGGTAACAGGGGTTCTGAATCCCCTAGGGGACGCCA-C -348
TAAAGATGATTTTT-ATTGTCTTATGTT--CTTTAAAAAATAGAAACAA -201
:  :  ::  ::  :  :  :  :  :  :  :  :  :
TT--GCTGGTTTGTGAGTGAAAGTCGCCGACCTTAATATCTCAAACTCA -396
GCT----GAAACTGAGAGATTTTCTAAAGTAGAAAGTCTGAGT-AATCT -246
:  :  :  :  ::::  ::  :  ::  ::::  :  :  :
TCTTCGGGTGATGTTTGAGATNTTTGCTCTTTAAAAATCTGGATCAAGCT -446
AAAATCTTAG---CTGAACAAAAGCAGCTAAGTGTTTAGTCTAAATCATT -293
::  :  :  :::::  ::  :  ::::  ::
GAAAATTGAAACACTGAACAACGAGAGTTGTTTCGTG-AGTCTCTCAAATT -495
AACCACAAGTATATCAATATGCCTCGCGCATAATAAAATACTTGAGGTTG -343
:  ::  :  :  ::  ::  :  :  ::  ::  ::::
TTCG-CAACACGAT---GATGAATCGA----AAGAAACATCTTCGGGTTG -537

TAT -346
:
TGA -540

```

Fig. 7

```

ACGAAGTTATCTGATTGGCAAGAATCCACAACAAGTTGTTCTTTGGTAAG -50
::: ::
ACGAGATTATCTGATTGGCAAGAATCCACAACAAGTTGTTCTTAG-TAGT -49

ATGTTTAAAAACGGGTCTATAGCTCAGTTGGTTAGAGCACCGTGTTGATA -100
: : ::
GTAAGTTAAATTGGGTCTATAGCTCAGTTGGTTAGAGCACCGCCTTGATA -99

ACGCGGGGGTCATAAGTTCAAGTCTTATTAGACCCACCATTGTTGGGGCCA -150
: ::
AGGCGGGGGTCATAAGTTCAAGTCTTATTAGACCCACCATTGTTGGGGTTA -149

TAGCTCAGTTGGTAGAGCGCCTGCCTTGCACGCAGGAGGTCAGGAGTTTCG -200
:::
TAGCTCAGTTGGTAGAGCGCCTGCCTTGCACGCAGGAGGTCAGGAGTTTCG -199

ACTCTCCTTGGCTCCACCAAGCAAGTTTAA--ACATCAAAGCATACATAA -248
::: : : : : : : :
ACTCTCCTTAACTCCACCACCTTACAATAAATGAGAACTAAGCAATCAAAT -249

GCAAT----TTAAATAAGATTTCTTATTTATGCTTT---TATTTTA--TA -289
: : : : : : : : : : : :
TAGATAACATAAAATTAGATTTCTTACTTCTACTTTATGTAGATGACTTA -299

-----AACTGACGAAGTTTATAACA-TTATTTAACAACATAG-TATGAGT -332
: : : : : : : : : : : :
CAATTAAGTGAAGTTAATTTCAATTATTTAACAACGTATATATGAGT -349

CTGGGTAAATTATTTAATTCCAACAAATAATTAACCTGGTGTGTTGTAC-C -381
: : : : : : : : : : : :
CTGGGTAAATTATTTAATTCCAACAAATAATTAACCATTCGTCATACTC -399

CA-----ATACAAACACCAA-----A -398
: : : : : : : : : :
CACATCAAGCATATAAAGTTAAACTTTTAGTATTGATGATGATCGGATA -449

AAGTAAAGAGAACTGAATCAAGCGTAAACATAGGTGAATCGTTACACATT -448
: : : : : : : : : : : :
AAGTAAAGAGAACTGAATCAAGCGTAAACATAGGTGAATCGTTACACATT -499

ACCCATACACACCAAAGACTTCCTAGAAGTCAGACTACTTGGGGTTGTAT -498
: : : : : : : : : : : :
ACCCATACACACCAAAGACTTCCTAGAAGTCAGACTACTTGGGGTTGTAT -549

```

Fig. 8

Fig. 9

```

AAGGATAAGGAA--CTGCGCATTG-GTCTTGTTTAGTCTTGAGAGGTCTT -47
::::::::::::: :::: :::: ::::::::::::::: :::::::::::::::
AAGGATAAGGAAACCTGCCATTTGCGTCTTGTTTAGTTTTGAGAGGTCTT -50

GTGGGGCCTTAGCTCAGCTGGGAGAGCGCCTGCTTTGCACGCAGGAGGTC -97
::::::::::::: ::::::::::::::: ::::::::::::::: :::::::::::::::
GTGGGGCCTTAGCTCAGCTGGGAGAGCGCCTGCTTTGCACGCAGGAGGTC -100

AGCGGTTTCGATCCCGCTAGGCTCCATTGGTGAGAGATCACCAAGTAATGC -147
::::::::::::: ::::::::::::::: :::: :::: :::: ::::
AGCGGTTTCGATCCCGCTAGGCTCCATTGAATCGAAAGGTTCAAAT--TGT -148

ACATTGAAAATTGAATATCTATATCAAAT----- -176
::::::::::::: :::::::::::::::
TCATTGAAAATTGAATATCTATATCAAATTCACGATCTAGAAATAGATT -198

-----AGTAACAAGAAAATAAACCGAAAACGCTGT-AGTATT-AATAAG -218
::::::::::::: ::::::::::::::: :::: :::: ::::
GTAGAAAGTAACAAGAAAATAAACCGAAAACGCTGTGAATATTTAATGAG -248

AGTTTATGACTGAAAGG---TCAGAAAATAA -246
:: : : :::: : : ::::
TTTTCTAGTTTTTAAAGAACTAGGTTAATAA -279

```

Fig. 10